研究報文

マウス胸腺における脂肪化および脂肪細胞分化

松永美沙子, 江口晶紀子, 田邊 美和, 山下 真代, 宮田 堅司

Study of adipogenesis in the thymus of the mouse

Misako Matsunaga, Akiko Eguchi, Miwa Tanabe, Masayo Yamashita and Kenji Miyata

The mouse thymus locates on a position close to the pericardial cavity and consists of two lobes. The lobes surrouded by a capsule are subdivided into many lobules by connective tissue trabeculae. Each lobule consists of lymphocytes-accumulated regions, cortex and medulla. In the previous study, since only lymphocytes in many kinds of thymus-constructing cell expressed the long type leptin receptor (OBRL), it was suggested that thymocytes were regulated with leptin produced by adipocytes differenciated and proliferated through thymic age involution. Then it is naturally interested in studying when lipogenesis and adipogenesis begin in the thymus either in embryogenesis or in postnatal growth.

We extracted and measured the quantity of total lipid of the thymus and found that that began to increase at the period of 5 to 8 week-old after birth. The quantity of DNA of the thymus was little changed for this period. Then we directly observed histologically HE-stained sections under light microscope. The small number of adipocytes was observed at surrouding connective tissue, but never found in trabeculae of thymus of neonatal. In 5 week-old thymus adipocytes were first observed in small groups in the trabeculae.

Secondly, we detected FGF10, PPAR γ and leptin mRNA expressions by the RTPCR method as the indication of adipogenesis in the thymus from embryo just before birth to 6 month-old. Both FGF10 and PPAR γ mRNA were detected in all specimens. The expression of PPAR γ is slightly less than that of FGF10 in the embryonic thymus, but with increasing age it increased and apparently more than that of FGF10 in the 6 moth-old thymus.

These results suggest that adipogenesis in the thymus begins just before birth at the latest and that lipogenesis in the thymus does at 5 week-old after birth.

I. はじめに

マウスの胸腺は結合組織性の被膜に覆われ,被膜 から実質内へ侵入するトラベキュラによって多数の 小葉に分けられている。小葉内では胸腺上皮細胞が ネットワーク構造をとり,その間に多くのリンパ球 が存在する。このリンパ球領域は,春機発動期前後 まで増大し,その後加齢に伴ってリンパ球数が減少 することにより退縮する¹⁾。また,被膜やトラベキュ ラで脂肪細胞が増殖しリンパ球の退縮した領域が脂

京都女子大学家政学部食物栄養学科栄養学第二研究室

肪細胞で置換された様相を呈する。胸腺を構成する 種々の細胞のうち、リンパ球のみがレプチンレセプ ターb(OBR-b)を発現しており、レプチンを介し て脂肪細胞がリンパ球の機能を調節していることが 示唆されている^{2,3)}。本報では、胸腺での脂肪細胞 の分化時期を明らかにする目的で、週齢の異なるマ ウスの胸腺組織標本の観察,胸腺の総脂質量の測定, および脂肪細胞分化のマーカー遺伝子としてFGF10 (Fibroblast Growth Factor 10), PPAR₂ (Peroxisome proliferator-activated receptor γ) およびレプチンの発 現を検討した。また、脂肪細胞に分化する細胞系列 を形態的に明らかにする目的で、胃脾間膜脂肪組織





液体窒素で凍結した胸腺をクロロホルム—メタノール—水混液中でホモジナイズし、クロロホルム層を回収、 窒素気流中で溶媒留去後秤量した。各週齢毎に2~4個の試料を測定した。胸腺湿重量1gあたりの総脂質量 平均値±標準偏差を示した。

の細胞を一次培養し、出現した細胞コロニーの細胞
 形態と FGF10, PPARy およびレプチン mRNA の発
 現との関係を検討した。

Ⅱ.方 法

1. 材料

頚椎脱臼させたマウス(BALB/c, ♀)を開腹開胸 し胸腺を摘出,直ちにサンプルチューブにいれ液体 窒素中で凍結した後,-80℃で保存した。試料の一 部を中性ホルマリンで固定した。また,無菌的に摘 出した胃脾間膜脂肪組織より細胞を分離し一次培養 した。

2. 脂質の抽出

 凍結保存した胸腺を秤量後,Bligh and Dyer⁴⁾の 方法にしたがって総脂質を抽出した。すなわち,凍 結した胸腺をクロロホルム—メタノール—水(容量 比1:2:0.8) 混液 2ml 中でホモジナイズし,抽出 液をスピッツ管に移した。この操作をさらに2回繰 り返した。3回分の抽出液を合わせ,クロロホルム —メタノール—水の最終容量比が2:2:1.8となる ようにクロロホルム - 水混液を加えた。遠心操作後 クロロホルム層を回収し,窒素気流中で溶媒を留去, 減圧乾燥後秤量し総脂質量を求めた。

3. DNAの抽出

凍結保存した胸腺を秤量後細切し, proteinase K に よる消化, RNAse 処理, フェノール抽出法により DNA を抽出した⁵⁾。エタノール沈殿法により精製し た後, 260nm における吸収より DNA 量を求めた。

4. 組織切片の作製

中性ホルマリンで固定した胸腺をアルコールシ

-2 -

リーズで脱水,アセトン--エタノール-クロロホル ム混液処理した後にパラフィン包埋した。滑走式ミ クロトームで 4µm 厚の切片を作製,脱パラフィン, ヘマトキシリン・エオジン染色,脱水,封入後顕微 鏡観察した。胸腺周囲の結合組織,被膜およびトラ ベキュラを観察対象とした。

5. RNAの抽出

凍結した胸腺より酸性グアニジウムチオシアン酸 --フェノールークロロホルム法⁶⁾によってトータル RNAを抽出し、エタノール沈殿法により精製した。

また,無菌的に摘出した胃脾間膜脂肪を 5ml 生理 食塩水中で細切し,2.5%トリプシン液(大日本製 薬)0.5mlを加え,37℃,5分間インキュベートし た。GIT 培養液(日本製薬)5mlを加え,ピペッティ ング操作により遊離してきた細胞を遠心操作により 回収した。GIT 培養液で洗浄後,10%FBS 含有 GIT 培養液に懸濁し培養ディッシュ(Tissue Culture Dish 35mm あるいは100mm, IWAKI)に播種した。48時 間毎に培養液を交換し,コロニーが認められるまで 培養を継続した。生理食塩水で培養ディッシュを十 分洗浄した後,顕微鏡下に目的のコロニーにガラス 製クローニングリング (IWAKI) をかぶせた。クロー ニングリング内に 100 ~ 200µl の抽出液を加えるこ とにより細胞を溶解させ,直ちに溶解液を回収し トータル RNA を抽出,精製した。

6. 脂肪細胞分化マーカーのRTPCR

脂肪細胞分化のマーカーとしてFGF10⁷⁾, PPAR^{γ 8)} およびレプチン⁹⁾ を検出した。胸腺および培養細胞 コロニーから抽出したトータル RNA を鋳型として RTPCR を行った。逆転写反応は M-MLV リバースト ランスクリプターゼ (RT-PCR high, 東洋紡), 6 塩 基のランダムプライマーを用い, 30°C で 10 分, さ らに 42°C で 1 時間行った。99°C で 5 分処理後反応 産物にプライマーおよび rTaqDNA ポリメレースを 加え PCR を行った。FGF10 を増幅するために⁷⁾, プライマーF10-F1 5' CTTCCAGTATGTTCCTTCT-

GATGAGAC プライマーF10-B2 5' CAGTTAAAAGATGCATAG-

GTGTTG

PPAR_yを増幅するために (10),

プライマー P-F1 5' TGAAAAGACCCAGCTCTA-CAAC



液体窒素で凍結した胸腺を proteinase K 消化, RNAse 消化,フェノール処理により DNA を抽出し,260nm の 吸収より DNA 量を測定した。各週齢毎に 2 ~ 3 個の試料を測定した。胸腺湿重量 1g あたりの DNA 量平均値 土標準偏差を示した。

— 4 —

プライマー P-B1 5' CCACCTCTTTGCTCTGCTC-CTG

レプチンを増幅するために (9), プライマーOF1 5' p-GAAGAGGGATCCCTGCTCCA プライマーOB1 5' p-GATGGATGTGTGCACATGGC を準備した。プライマー OF1 と OB1 との組み合わ せによりレプチンの 665 塩基対の DNA フラグメン トが増幅され, プライマー F10-F1 と F10-B2 との 組み合わせにより FGF10 の 565 塩基対の DNA フラ グメントが増幅され, プライマー P-F1 と P-B1 と の組み合わせにより PPARyの 565 塩基対の DNA フ ラグメントが増幅される。

PCR の条件は、反応溶液容量 50µl, 鋳型変性温度 96℃ および変性時間 30 秒, プライマーアニーリン グ温度 55℃ およびアニーリング時間 1 分, 相補鎖 合成反応温度 72℃ および反応時間 2 分, 35 サイク ルに設定した。PCR 終了後,反応溶液 10µl をアガ ロースゲルで電気泳動した。電気泳動終了後, エチ ジュウムブロマイド液で染色し,ポラロイド撮影を 行った。サイズマーカー DNA (λ/HindIII) 0.5µg を 同時に電気泳動し, PCR で増幅された DNA フラグ メントの大きさを確認した。

Ⅲ.結 果

1. 加齢による胸腺総脂質量の変化

3,5 および8 週齢の胸腺(湿重量 50 ~ 90mg)か ら総脂質を抽出定量した結果を図1に示した。3 週 齢および5 週齢では,胸腺湿重量 1g あたり総脂質重 量は 30 ~ 70mg となり,両週齢間で差異は認められ なかった。8 週齢では胸腺湿重量 1g あたり総脂質重 量は 90 ~ 140mg となり,5 週齢~8 週齢の間で増 加した。

一方,加齢退縮により胸腺構成細胞数が変動する ことが予測されるので,細胞数の目安として胸腺か ら DNA を抽出定量した結果を図 2 に示した。胸腺 湿重量 1g あたり DNA 量 n には 3 ~ 8 週齢の間では 明瞭な変化は認められなかった。図 1 および 2 の各 週齢での平均値を用いて,単位 DNA 重量あたりの 総脂質量を求めた結果を図 3 に示した。胸腺の DNA 量すなわち細胞数あたりの総脂質量は 5 週齢から 8 週齢の間で著しく増加していることが明らかとなっ た。

組織標本による胸腺内脂肪細胞の観察

胸腺の加齢にともなう総脂質量の増加の原因を明 らかにするために、出生直後、3、4、5、6および8 週齢の HE 染色組織標本を作製し光学顕微鏡で観察 した。出生直後の胸腺では、胸腺周囲の未分化間葉



図1および2の各平均値より総脂質量/DNA量比を求めた。



3

 $\begin{array}{c} 665 \rightarrow \\ 565 \rightarrow \end{array}$

 $\mathbf{2}$

1





図4 脂肪細胞分化マーカー FGF10, PPARyおよびレプチン mRNA の発現 胸腺から抽出したトータル RNA 1µg を鋳型として RTPCR を行った。FGF10 および PPARyでは 565b.p のバン ドが,レプチンでは 665b.p のバンドが検出された。a. 20 日齢胎仔,b. 3 週齢,c. 5 週齢,d. 6ヶ月齢。 FGF10とPPARyを比較すると20日齢胎仔では僅かにFGF10の方のバンドが濃く染色された。3週齢および5週齢

では差は認められない。6ヶ月齢では明らかに PPAR y の方のバンドが濃く染色された。レーン:m;マーカー DNA, 1; FGF10, 2; PPAR y, 3; レプチン

組織様の疎性結合組織に少数の単胞性の脂肪細胞の 存在が認められたけれども,被膜や胸腺内のトラベ キュラには脂肪細胞は観察されなかった。3 週齢お よび4週齢の胸腺では,周囲の結合組織には単胞性 の脂肪細胞が多数認められたけれども,胸腺内のト ラベキュラには明瞭な脂肪細胞は観察されなかっ た。5 週齢の胸腺で初めてトラベキュラに数個の細 胞集団をなした脂肪細胞が観察された。

総脂質量が増加し始める時期と,トラベキュラに 脂肪細胞が観察されるようになる時期とが一致した ことから,加齢にともなう胸腺の総脂質量の増加は 胸腺内での脂肪細胞の分化増殖に起因することが示

— 5 —

-6-

唆された。

3. 脂肪細胞分化マーカー mRNAの発現

胸腺から抽出したトータル RNA をもちいて脂肪 細胞分化のマーカーとなる mRNA の発現を調べた。 マーカーとして FGF10, PPARy およびレプチンを対 象とした。出生直前の胎仔期(20日胚)~6ヶ月齢 の胸腺で, RTPCR 法により FGF10 および PPARγの mRNAの発現が認められた(図4)。PCRによって増 幅される FGF10と PPARyの DNA フラグメントはと もに565塩基対となるようにプライマーを設定した。 FGF10とPPARyの増幅フラグメントの染色度より発 現量を比較すると,胎仔期にはFGF10の方が僅かに 多く発現していた(図4a)。3週齢および5週齢では ほぼ同じ、あるいは僅かに PPARyの方が多く発現し ていた (図 4b, 4c)。6ヶ月齢では PPARyの方が多く 発現していた(図 4d)。レプチンの増幅フラグメン トは 665 塩基対であり FGF10 や PPARγの増幅フラ グメントと簡単に比較することはできないけれど も、胎仔期では発現量が少なかった。

また,脂肪細胞分化の対照として、3 週齡マウス の胃脾間膜から分離した細胞を一次培養した。胃脾 間膜脂肪組織の一次培養により、線維芽細胞、脂肪 滴を含有しない上皮細胞類似の敷石状に配列した細 胞、および小さな脂肪滴を多数含有した多胞性の脂 肪細胞のコロニーが得られた。多胞性の脂肪細胞の コロニーから抽出した RNA を用いた RTPCR で FGF10およびPPARymRNAともに発現が認められた (図 5)。レプチンの発現も僅かに認められた。脂肪 滴を含有しない敷石状の細胞コロニーでもFGF10お よび PPARymRNA の発現が認められた(図 5)。

IV. 考 察

一次リンパ性器官である胸腺の皮質及び髄質に局 在するリンパ球数は、春機発動期前後から減少し始 める¹¹⁾。また、リンパ球の減少に伴って、胸腺実質 を多数の小葉に分ける結合組織性のトラベキュラ領 域に多数の脂肪細胞が出現し,萎縮したリンパ球領 域が脂肪組織で置換された様相を呈する。この現象 は胸腺の加齢退縮と呼ばれている。マウスでは、胸 腺に出現する脂肪細胞がレプチンを産生し、リンパ 球がレプチンレセプターOBR-bを発現していること より、レプチンを介して脂肪細胞が胸腺リンパ球に 作用している可能性が示唆されている^{2,3)}。本報で は、胸腺に脂肪細胞が出現する時期を明らかにする ために、マウスの加齢にともなう胸腺の総脂質量の 測定および胸腺組織標本の観察を行った。また、胸 腺での脂肪細胞分化の機構を検討するために、脂肪 細胞分化のマーカーとして FGF10, PPARyおよびレ プチンの mRNA の発現を RTPCR 法で調べた。

細胞質に多量の脂質を貯蔵する脂肪細胞が増殖分 化するにつれて,胸腺の総脂質量が増加することが 予測される。Bligh and Dyer 法により,3,5 および 8週齢マウスの胸腺の総脂質を抽出秤量した結果,胸 腺組織1g あたりの総脂質量は5週齢と8週齢の間で



図5 胃脾間膜脂肪組織一次培養コロニーの FGF10 および PPARy mRNA の発現 3週齢マウスの胃脾間膜脂肪組織を酵素処理して得た細胞を一次培養し、出現したコロニーからクローニング リングを利用してトータル RNA を抽出し、RTPCR を行った。a. 脂肪滴を全く含有しない敷石状に配列した 細胞コロニー、b. 小さな脂肪滴を多数含有する(多胞性)細胞コロニー。いずれのコロニーの細胞からも FGF10 および PPARy の mRNA の発現が認められた。レーン:m;マーカー DNA, 1; FGF10, 2; PPARy

食物学会誌・第56号

増加し始めることが明らかとなった。また,脂肪化 にともなって胸腺のリンパ球領域が退縮することに より胸腺構成細胞数が変化することが予測されるの で,胸腺の DNA 含有量を測定した。3,5 および 8 週齢の DNA 含有量に関しては,明瞭な変化は認め られなかった。単位 DNA 量あたりの総脂質量を求 めると図 3 となり,加齢にともなって増加した。こ のことは,加齢にともなう胸腺の総脂質量の増加は, 胸腺細胞数の増加,すなわち胸腺の成長によるもの ではなく,脂質の蓄積に起因することを示している。

胸腺は結合組織性の被膜に囲まれたリンパ球の集 積した皮質および髄質からなる。リンパ球領域は被 膜に連続するトラベキュラによって小葉に分けられ ている。小葉内にはリンパ球の他に胸腺上皮細胞, 樹状細胞やマクロファージなど種々の細胞が存在す る。これらの胸腺構成細胞の中に脂質を蓄積する脂 肪細胞が出現する時期を検討した。出生直後から8 週齢までの胸腺の HE 染色組織標本を顕微鏡観察し た。出生直後および3週齢の胸腺では、周囲の結合 組織に脂肪細胞が存在するけれども、被膜やトラベ キュラには脂肪細胞は認められなかた。5 週齢では トラベキュラに少数の単胞性の脂肪細胞からなる細 胞集団が観察され、胸腺総脂質量が増加し始める時 期と一致した。したがって,遅くとも5週齢では胸 腺内に脂肪細胞が存在していることが明らかとな り、加齢にともなう脂質の蓄積は胸腺内での脂肪細 胞の分化増殖によることが組織学的にも示唆され た。

次に, 脂肪細胞分化のマーカーとして FGF10, PPARyおよびレプチンmRNAの発現をRTPCR法によ り検討した。PPARyは脂肪細胞特異的な細胞核レセ プターであり脂肪細胞分化のマスターレギュレイ ターと考えられている¹²⁾。レプチンは成熟した脂肪 細胞が産生し、エネルギー摂取および消費を促すホ ルモン作用を持つ¹³⁾のみでなく、サイトカインと して種々の生理機能を持つことが明らかにされてい る^{14,15)}。マウス FGF10 は肺や胎仔で多く発現して いること、さらに、創傷修復時に産生されることが 知られている⁷⁾。胎生 20 日のマウス胎仔~ 6ヶ月齢 マウスの胸腺において,全ての試料で FGF10 および PPARγの mRNA の発現が認められた。電気泳動後の ゲル染色像の濃淡より発現量を比較するために, FGF10およびPPARyの増幅されるDNAフラグメント が 565 塩基対となるようにプライマーを設定した。 胎仔胸腺では FGF10 が PPARyよりも僅かに多く発 現し、生後3週齢、5週齢の胸腺ではほぼ同じ発現 量であり、6ヶ月齢では明らかに PPARyの発現量の 方が多かった。このことから、FGF10の方がより早 期に発現し、加齢にしたがって PPARyの発現が増大 することが示唆された。このことは、マウス新生仔 由来細胞での脂肪細胞分化誘導時に、FGF10の方が PPARyよりも早期に誘導されること¹⁶⁾と一致した。 また、出生直前の胎仔胸腺内ですでに脂肪細胞分化 の過程が始まっていることが示唆された。

次に,脂肪細胞分化過程の細胞を同定する目的で, 体腔脂肪に分類される胃脾間膜脂肪組織から分離し た細胞を培養した。一次培養により、線維芽細胞の コロニー、

上皮細胞様に隣接する細胞がすき間なく 敷き詰められた様相を呈する細胞コロニー(敷石状 の細胞)および小さな脂肪滴を多数含有した多胞性 の脂肪細胞のコロニーが得られた。ガラス製のク ローニングリングを用いて, 各コロニーからトータ ル RNA を抽出し RTPCR を行った結果, 多胞性の脂 肪細胞および敷石状の細胞コロニーでFGF10および PPARyのmRNA の発現が認められ、これらの細胞は 脂肪細胞分化の途中の段階にあることが示唆され た。したがって、胸腺を構成する細胞を一次培養系 に移し,同様の形態を示す細胞コロニーより RNA を 抽出し, マーカー遺伝子 mRNA の発現を調べること により、種々の胸腺構成細胞の中で脂肪細胞に分化 する系列の細胞を形態的に同定することが可能であ ることが示唆された。

V.要約

マウスの加齢にともなう胸腺の脂肪化の機構を検 討する一環として, BALB/c 雌マウスを用いて, 加 齢による胸腺の総脂質量の変化、および組織学的に 胸腺内に脂肪細胞が出現する時期を調べた。胸腺組 織単位湿重量あたりの総脂質量は5週齢から8週齢 の間で著しく増加し始めた。胸腺構成細胞数の変化 を考慮した場合も同様であった。また、胸腺の HE 染色組織標本を顕微鏡観察した結果,出生直後のマ ウス胸腺周囲の結合組織にはすでに少数の脂肪細胞 が認められたけれども、胸腺内の結合組織であるト ラベキュラには全く観察されなかった。5週齢マウ スの胸腺トラベキュラに初めて少数の脂肪細胞が集 団で存在するのが観察された。以上より、遅くとも 生後5週齢の胸腺内のトラベキュラには脂肪細胞が 存在すること、また、この時期に一致して胸腺の総 脂質量が増加し始めることが明らかとなった。

脂肪細胞分化のマーカーとして FGF10, PPAR γ お よびレプチン mRNA の発現を RTPCR 法で調べた。

食物学会誌・第56号

出生直前から 6ヶ月齢マウス胸腺において,FGF10 および PPARyの mRNA の発現が認められ,出生直 前の胸腺内で脂肪細胞分化のプロセスが始まってい ることが明らかとなった。また,FGF10 と PPARyの 発現量を比較すると,出生直前の胸腺では FGF10 の 発現量が多かった。しかし,加齢にともなって PPARy の発現量の方が多くなることが明らかとなった。し たがって,胸腺内での脂肪細胞分化のプロセスにお いて,FGF10と PPARyの発現時期を比べると,FGF10 の方がより早期に発現していることが示唆された。 また,6ヶ月齢では FGF10 の発現量が少ないことか ら,幹細胞からの分化開始が鈍化していることが示 唆された。

文 献

- 1) R. Rugh: *The Mouse, Its Reproduction and Development*, Burgess Publishing, 253 (1968)
- 2) 井田めぐみ,草信映子,鈴木真知子,酒井奈美, 白井能富子,永尾命子,幟川智子,宮田堅司: 本誌,54,1 (1999)
- 3) 坂口恵子,佐藤紘子,徳永雅美,西津景子,久 湊尚子,松永美佐子,宮田堅司:本誌,55,23 (2000)
- 4) E. Bligh and J. W. Dyer: Can. J. Biochem. Physiol., 37, 911 (1959)

- 5) J. Sambrook and D. W. Russel: *Molecular Cloning* A Laboratory Manual, 3rd ed., COLD SPRING HARBOR LABORATORY PRESS, 6, 24 (2000)
- P. Chomczynski, N. Sacchi: Analytical Biochem., 162, 156 (1987)
- S. Tagashira, H. Harada, T. Katsumata, N. Itoh and M. Nakatsuka: *Gene*, 197, 399 (1997)
- 8) B. B. Lowell: Cell, 99, 239 (1999)
- Y. Zhang, R. Proenca, M. Maffei, M. Barone, L. Leopold, J. M. Friedman: *Nature*, 372, 425 (1994)
- Y. Zhu, K. Alvares, Q. Huang, M. S. Rao and J. K. Reddy: J. Biol. Chem., 268, 26817 (1993)
- D. E. Kelly, R. L. Wood, A. C. Enders: *Bailey' Textbook of Microscopic Anatomy*, 18th ed (Williams and Wilkins), 453 (1984)
- 12) P. Tontonotz, E. Hu and B. M. Spiegelman: Cell, 79, 1147 (1994)
- 13) B. M. Spiegelman and J. S. Flier: *Cell*, 104, 531 (2001)
- 14) G. M. Lord, G. Matarese, J. K. Howard, R. J.
 Baker, S. R. Bloom and R. I. Lechler: *Nature*, 394, 897 (1998)
- 15) R. H. Unger, Y.-T. Zhou and L. Orci: Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 96, 2327 (1999)
- 16) N. Itho: Personal communication

— 8 —